



马飞



马飞、博士、教授、博士生导师。主要从事动物分子免疫与生物信息学研究。兼任中国昆虫学会昆虫生理生化与分子生物学专委会会员、江苏省动物学会理事、江苏省生物医学工程学会生物信息学专业委员会成员、美国遗传学会会员。2007年入选教育部新世纪优秀人才、2010年入选南京师范大学青蓝工程中青年学术带头人、2011年度荣获南京师范大学“优秀教师奖”。已主持国家自然科学基金、教育部“新世纪优秀人才支持计划”、863计划专题、973计划子课题以及国家转基因生物新品种培育重大科技专项子课题10余项。已申请国家发明专利1项。在国内外重要学术刊物上发表论文100余篇。参编学术著作和教材3部、获省部级自然科学和科技进步奖各1项。

研究方向

1. 非编码RNA在昆虫和头索动物文昌鱼先天免疫响应及免疫稳态维持中的调控机制研究;
2. 头索动物文昌鱼免疫系统的起源与演化的比较基因组学研究;
3. 生物信息知识发掘、数据库开发、癌症网络生物学和临床标志物筛选研究。

出版的著作

1. 程遐年, 吴进才, 马飞 编著. 《褐飞虱的研究与防治》. 北京: 中国农业出版社. 2003年9月 (本书获2002年国家科学技术学术著作出版基金的专项出版资助)。
2. 肖浪涛, 主编, 马飞参编. 十一五《生物信息学》教材. 北京: 中国农业出版社. 2006年10月。
3. 李庆伟, 马飞 编著. 《鸟类分子进化与分子系统学》. 北京: 科学出版社. 2007年8月。

代表性论文:

1. Qin S, Xia X, Shi X, Ji X, Ma F, Chen L. Mechanistic insights into SARS-CoV-2 epidemic via revealing the features of SARS-CoV-2 coding proteins and host responses upon its infection. *Bioinformatics*, 2020, doi: 10.1093/bioinformatics/btaa725.
2. Li R, Zhou H, Jia C, Jin P, Ma F. *Drosophila* Myc restores immune homeostasis of Imd pathway via activating miR-277 to inhibit imd/Tab2. *PLOS Genetics*, 2020, 16(8):e1008989.
3. Qin S, Shi X, Wang C, Jin P, Ma F. Transcription Factor and miRNA Interplays Can Manifest the Survival of ccRCC Patients. *Cancers (Basel)*, 2019, 11(11):1668.
4. Wei G, Sun L, Qin S, Li R, Chen L, Jin P, Ma F. Dme-Hsa Disease Database (DHDD): Conserved Human Disease-Related miRNA and Their Targeting Genes in *Drosophila melanogaster*. *Int J Mol Sci*. 2018, 19(9):2642.

5. Wei G, Sun L, Li R, Li L, Xu J, **Ma F**. Dynamic miRNA-mRNA regulations are essential for maintaining Drosophila immune homeostasis during *Micrococcus luteus* infection. *Developmental and Comparative Immunology*, 2018, 81:210-224
6. Li S, Li Y, Shen L, Jin P, Chen L, **Ma F**. miR-958 inhibits Toll signaling and Drosomycin expression via directly targeting Toll and Dif in *Drosophila melanogaster*. *Am J Physiol Cell Physiol*, 2017, 312(2):C103-C110.
7. Li S, Shen L, Sun L, Xu J, Jin P, Chen L, **Ma F**. Small RNA-Seq analysis reveals microRNA-regulation of the Imd pathway during *Escherichia coli* infection in *Drosophila*. *Dev Comp Immunol*, 2017, 70:80-87.
8. Qin S, **Ma F**, Chen L. Gene regulatory networks by transcription factors and microRNAs in breast cancer. *Bioinformatics*, 2015, 31(1):76-83.
9. Han M, Qin S, Song X, Li Y, Jin P, Chen L, **Ma F**. Evolutionary rate patterns of genes involved in the Drosophila Toll and Imd signaling pathway. *BMC Evolutionary Biology*, 2013, 13:245.
10. Zhuang Y, **Ma F**, Li-Ling J, Xu X, Li Y. Comparative analysis of amino acids usage and protein length distribution of alternatively and non-alternatively spliced genes across the six eukaryotic genomes. *Molecular Biology and Evolution*, 2003,20(12):1978~1985.

个人实验室网址：
<http://bioinf.njnu.edu.cn/>

联系方式：南京市仙林文苑路1号南京师范大学生命科学院 (210046)

E-mail: mafei01@tsinghua.org.cn

