

结构基因组学研究 与 核磁共振

Structural Genomics and Nuclear Magnetic Resonance

投稿时间: 2001-3-9 最后修改时间: 2001-5-17

稿件编号: 20010614

中文关键词: [结构基因组学](#) [基因组](#) [蛋白质家族](#) [三维结构](#) [核磁共振](#)

英文关键词: [structural genomics](#) [genome](#) [protein family](#) [three dimensional structure](#) [nuclear magnetic resonance](#)

基金项目:

| 作者 | 单位 |
|---------------------|---|
| 刘东升 | 中国科学院生物物理研究所, 生物大分子国家重点实验室, 北京 100101 |
| 王金凤 | 中国科学院生物物理研究所, 生物大分子国家重点实验室, 北京 100101 |

摘要点击次数: 103

全文下载次数: 13

中文摘要:

各种生物的基因组DNA测序计划的完成, 将结构生物学带入了结构基因组学时代. 结构基因组学是对所有基因组产物结构的系统性测定, 它运用高通量的选择、表达、纯化以及结构测定和计算分析手段, 为基因组的每个蛋白质产物提供实验测定的结构或较好的理论模型, 这将加速生命科学各个领域的研究. 生物信息学、基因工程、结构测定技术等的发展为结构基因组学研究提供了保证. 近年来核磁共振在技术方法上的进展, 使其成为结构基因组学高通量结构分析中的一个关键方法.

英文摘要:

The nearly close of sequencing stages of the various genome projects transforms structural biology into structural genomics. Structural genomics is the systematic determination of all genome products' structures. It uses high-throughput selection, expression, purification, structure determination and computational analysis to provide an experimental structure or a good model for every protein in all completed genomes, that will accelerate scientific study in all areas of biological science. The developments of bioinformatics, gene engineering and structure determination techniques provide the guarantee for structural genomics. Recent developments in the technology of nuclear magnetic resonance make it as a key method of high-throughput structural analysis in structural genomics.

[查看全文](#)

[关闭](#)

[下载PDF阅读器](#)

您是第387364位访问者.

主办单位: 中国科学院生物物理研究所和中国生物物理学会 单位地址: 北京市朝阳区大屯路15号
服务热线: 010-64888459 传真: 010-64889892 邮编: 100101 Email: prog@sun5.ibp.ac.cn
本系统由勤云公司设计, 联系电话: 010-62862645, 网址: <http://www.e-tiller.com>
京ICP备05002794号