

# 油菜叶绿体16SrRNA基因的一级结构分析

高家国, 汪训明, 王琪

复旦大学遗传学研究所, 上海

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 本文报道了油菜叶绿体16SrRNA基因的全顺序及其5'端上游的156bp和3'端下游的101bp的核苷酸顺序。油菜叶绿体16SrRNA基因长为1491bp, 和烟草、玉米相比, 同源程度分别为98.5%、96.1%。油菜叶绿体16SrRNA基因5'端上游及3'端下游的顺序能互补而形成一个较大的茎环结构, 但与烟草相比, 由于3'端下游顺序有79bp的缺失, 因此, 该结构中的茎部分大小仅为烟草的二分之一。

**关键词** [油菜叶绿体,16SrRNA基因,顺序分析](#)

分类号

## The Complete Nucleotide Sequence of Brassica napus Chloroplast 16S rRNA Gene

Gao Jianguo, Wang xunming, Wang Qi

Institute of Genetics, Fudan University, Shanghai

### Abstract

The complete nucleotide sequence of a 16S rRNA gene and its flanking sequence from Brassica napus chloroplast has been determined. The 16S rRNA gene is 1491 bp in length, having 98.5%, and 96.1% homology with those of tobacco and maize chloroplast, respectively. The large stem and loop structure can be constructed from the sequence surrounding the 5' and 3' ends of the 16S rRNA gene. The stem is about half shorter than that of tobacco, due to a 79 bp deletion in Brassica napus chloroplast.

**Key words** [Brassica napus chloroplast](#) [16S rRNA gene](#) [sequencing](#)

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(404KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含 “油菜叶绿体,16SrRNA基因,顺序分析” 的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [高家国](#)
- [汪训明](#)
- [王琪](#)