

单核苷酸多态性的研究技术 Detection for Single Nucleotide Polymorphisms

罗怀容, 施鹏, 张亚平 LUO Huai-rong, SHI Peng, ZHANG Ya-ping

中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化开放实验室, 昆明 650223 Laboratory of Cellular and Molecular Evolution, Kunming Institute of Zoology, the Chinese Academy of Sciences, Kunming, 650223, China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 本文在对人类基因组单核苷酸多态性(SNP)的概念做简要说明的基础上,系统地介绍14种检测分析SNP的技术和方法的原理、操作要点及其优缺点。

Abstract: Based on summarizing the single nucleotide polymorphisms (SNP) of human genome, 14 methods for detection were reviewed in detail, including the principle, operational point, the advantages and the disadvantages of each method.

关键词 [单核苷酸多态性](#) [研究技术](#) **Key words** [single nucleotide polymorphisms](#) [technique](#) [human genome](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“单核苷酸多态性”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [罗怀容](#)
- [施鹏](#)
- [张亚平LUO Huai-rong](#)
- [SHI Peng](#)
- [ZHANG Ya-ping](#)