

# 用核糖体ITS区序列验证自然杂交种 *Meconopsis × cookei* G. Taylor

袁长春<sup>1</sup>, 黎培新<sup>1</sup>, 王燕芳<sup>1</sup>, 施苏华<sup>2</sup>, ①

1. 湛江师范学院生化学院; 湛江 524048; 2. 中山大学生命科学学院基因工程教育部重点实验室; 广州 510275

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 对被认为是自然杂交种的绿绒蒿植物 *Meconopsis × cookie* G. Taylor 及其可能的亲本红花绿绒蒿 (*M. punicea*) 和五脉绿绒蒿 (*M. quintuplinervia*) 的核糖体DNA ITS区进行了序列测定, 所得序列的长度为667~668 bp, 其中红花绿绒蒿的序列长度为667 bp, 另外两个种的序列长度均为668 bp. 利用软件Clustal X对所得序列进行排序和碱基比较, 排序后的序列长度为668 bp, 其中ITS1长度为254 bp, 5.8S长度为162 bp, ITS2 长度为252 bp. 整个ITS区序列共有16个变异位点, 占序列总长度的2.40%, 其中ITS1的变异位点9个, 占56.25%, 占整个序列长度的1.35%; ITS2的变异位点6个, 占37.50%, 占整个序列长度的0.89%; 5.8S的变异位点1个, 占6.25%, 占整个序列长度的0.15%. 分析结果表明, *M. × cookei* 同时具有红花绿绒蒿和五脉绿绒蒿的两种ITS序列, 也就是说 *M. × cookei* 与红花绿绒蒿和五脉绿绒蒿之间在ITS基因上的变化规律符合孟德尔遗传学定律, 从而从分子水平上证明 *M. × cookei* 是红花绿绒蒿和五脉绿绒蒿的杂交后代。

**关键词** [杂交种](#) [Meconopsis × cookei](#) [红花绿绒蒿](#) [五脉绿绒蒿](#) [ITS](#)

分类号

1. Life Science and Chemistry School; Zhanjiang Normal University; Zhanjiang 524048; China; 2. Key Laboratory of Gene Engineering of Ministry of Education; School of Life Sciences; Zhongshan University; Guangzhou 510275; China

## Abstract

**Key words** [hybrid species](#) [Meconopsis × cookie](#) [M. punicea](#) [M. quintuplinervia](#) [ITS](#)

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(317KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“杂交种”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [袁长春](#)
- [黎培新](#)
- [王燕芳](#)
- [施苏华](#)
-