

## 蓖麻蚕18S rRNA 基因3末端的顺序特征\*

凌敏华, 郑仲承, 曹 苹, 李载平

中国科学院上海生物化学研究所

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 本文测定了蓖麻蚕18S rRNA基因 (rDNA) 3' 末端及其外侧的DNA顺序。将这一顺序与家蚕、果蝇、大鼠18S rDNA 3' 末端顺序以及大肠杆菌16S rDNA 3' 末端顺序作了比较, 发现它们间有惊人的同源性。不仅如此, 这些基因的3' 末端所形成的茎环结构也十分相似, 在3' 末端还有保守的EcoRI切点。这些研究结果对了解18S rRNA 3' 末端在蛋白质合成中的功能及在 rRNA前体加工成熟中的作用; 对于了解rRNA基因的进化打下了基础。

**关键词** [18S rRNA基因3' 末端,同源顺序](#)

分类号

## The Features of the 3' Terminal Sequences of the 18S rRNA Gene from Silkworm *Attacus ricini*

Ling Minhua,Zheng Zhongcheng,Cao Ping,Li Zaiping

shanghai Institute of biochemistry,Academia Sinica

### Abstract

The 3' terminal sequence of the gene for 18S rRNA of silkworm *Attacus ricini* have been sequenced. Comparison of this sequence with the 18S rDNA of silkworm *Bombyx mori*, *Drosophila melanogaster*, rat and the 16S rDNA of *E. coli* has shown that there is a remarkable homology between them. Moreover, the stem and loop formation of 3' regions of these rDNAs are very similar. There is a conservative EcoRI site in the 3' region of these rDNAs. These results may contribute to the understanding of the functions of the 3' end of 18S rDNA in protein synthesis, in proceeding of rDNA precursor, and to the understanding of the evolutionary relation of rDNAs.

**Key words** [3' terminal sequence of 18S rRNA gene](#) [Homology](#)

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(427KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中包含“18S rRNA基因3'末端,同源顺序”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [凌敏华](#)
- [郑仲承](#)
- [曹 苹](#)
- [李载平](#)