

RNAi在基因缺陷模型方面的应用

谭余良, 殷勤伟

中国科学院生物物理研究所系统生物学研究中心, 北京 100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 RNA干扰 (RNA interference, RNAi) 是指双链RNA (double-stranded RNA, dsRNA) 分子导入细胞内后, 促进与之同源的mRNA发生特异性的降解, 从而高效并特异地阻断或抑制相应基因表达活性的现象。RNAi技术现已成为调控基因的表达, 阐明细胞的信号通路和研究功能基因组学的有力工具, 并迅速在临床医学上展现出基因药物的诱人前景。目前, 人们已开始对RNAi技术在人类疾病的预防和治疗中的应用进行研究, 这些研究涉及到病毒感染、癌症、代谢性疾患以及遗传病等各个方面。通过综述siRNA分子的作用机制、载体构建以及其在基因缺陷模型的建立等方面的应用, 从而展示出RNAi在相关疾病的分子机制研究和基因治疗方面的诱人前景。

关键词 [siRNA; RNA干扰; 双链RNA; 基因沉默; 基因缺陷模型](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(284KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含 “siRNA; RNA干扰; 双链RNA; 基因沉默; 基因缺陷模型” 的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [谭余良](#)
 - [殷勤伟](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者