

dRNA-seq原理及其在原核生物转录组学研究中的应用

侯志伟^{1, 2}, 王贇³, 高宏¹, 侯圣伟¹

1. 中国科学院水生生物研究所, 淡水生态与生物技术国家重点实验室, 武汉 430072 2. 中国科学院大学, 北京 100049 3. 河南城建学院生物工程系, 平顶山 467036

The principle of dRNA-seq and its applications in prokaryotic tran-scriptome analyses

HOU Zhi-Wei^{1, 2}, WANG Yun³, GAO Hong¹, HOU Sheng-Wei¹

1. The State Key Laboratory of Freshwater Ecology and Biotechnology, Institute of Hydrobiology, Chinese Academy of Sciences, Wuhan 430072, China 2. University of Chinese Academy of Sciences, Beijing 100049, China 3. Department of Bioengineering, Henan University of Urban Construction, Pingdingshan 467036, China

摘要

图/表

参考文献(0)

相关文章 (15)

综合新闻 学术会议 遗传咨询 网络资源 学术讨论 科普之窗 新书咨询
科研院所 国内实验室 国外实验室 科学基金 学术团体 生命科学期刊 高新企业
成果展示 生物学家 遗传学史 招生信息 招聘信息 人才推荐 学风建设

© 中国遗传学会 中国科学院遗传与发育生物学研究所 欢迎阅读及检索本刊 引用时请注明出处