

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 从12S rRNA基因序列探讨中国10种壁虎的系统关系

作者: 韩德民 周开亚 王义权

南京师范大学遗传资源研究所, 南京

摘要: 对肌肉样品采用SDS/蛋白酶K裂解、酚-氯仿抽提和乙醇沉淀提取总DNA, 用线粒体12S rDNA通用引物扩增, 用银染测序和ABI Prism 310型遗传分析仪测定了*Gekko japonicus*, *G. swinhonis*, *G. hokouensis*, *G. gecko*, *Cyrtopodion elongatus*, *C. russowi*, *Teratoscincus roborowskii*, *Hemidactylus bowringii*, *H. frenatus*和*Gehyra mutilata* 10种壁虎的线粒体12S rRNA基因片段的序列。对位排列后的序列长421 bp, 含201个变异位点。属间核苷酸变异范围为0.228~0.282, 属内是0.005~0.263。重建的分子系统树将10种壁虎聚为三支: 第1支是大壁虎和截趾虎; 第2支由壁虎属其余的3个种构成一个单系; 第三支由其余3个属的5个种组成。研究结果表明: 截趾虎与壁虎属4物种亲缘关系较近; 吐鲁番沙虎和弯脚虎属2物种、蜥虎属2物种之间的亲缘关系较近, 支持Russell (1976)关于弯脚虎属与蜥虎属间进化关系的研究结果而不支持Kluge (1987)将沙虎属另立亚科的系统发生假说; 铅山壁虎与无蹼壁虎最先聚为姐妹群, 再与多疣壁虎相聚组成一个单系。

关键词: 壁虎科 分子系统发生 12S rRNA基因

通讯作者: 周开亚 (E-mail:kyzhounj@jlonline.com)。

这篇文章摘要已经被浏览 1493 次, 全文被下载 1167 次。

[下载PDF文件 \(188141 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>