



论文检索

关键词: 请选择年份 请选择刊期 

GO

高级查询

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 从12S rRNA基因序列探讨8种鳄类的系统学关系

作者: 吴孝兵 王义权 周开亚 童宗中 聂继山 王朝林 谢万树  
南京师范大学遗传资源研究所, 南京

摘要: 测得扬子鳄(*Alligator sinensis*)和暹罗鳄(*Crocodylus siamensis*)的mtDNA 12S rRNA基因片段的部分序列, 与GenBank中的2种鳄及文献中4种鳄的12S rRNA基因相应片段, 经比对后构建系统树。其结果显示, 现存鳄类为单系起源, 可划分为3个科, 即: 鳄科、食鱼鳄科和假食鱼鳄科。食鱼鳄与假食鱼鳄亲缘关系较近, 支持将假食鱼鳄作为食鱼鳄科的一个属, 与以形态学为基础的研究结果不同。在钝吻鳄科中, 扬子鳄与凯门鳄亲缘关系较远, 而与密西西比鳄的亲缘关系虽较近, 但它们的确存在很多差异, 两者12S rRNA基因序列差异达12.12%, 碱基的颠换数为9。在基于碱基转换和颠换的NJ系统树及仅基于碱基颠换的NJ系统树中, 前者支持扬子鳄与密河鳄间的亲缘关系较近, 而后者支持扬子鳄与凯门鳄间的亲缘关系较近, 说明扬子鳄与密河鳄间亲缘关系是值得研究的问题。因本文仅根据12S rRNA基因部分序列来进行分析的, 尚需进一步研究。

关键词: 鳄 12S rRNA基因 DNA 序列 分子进化

通讯作者: 王义权

这篇文章摘要已经被浏览 1342 次, 全文被下载 1287 次。

[下载PDF文件 \(121059 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kcx@ioz.ac.cn](mailto:kcx@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>