

甘肃藏族人群3个STR基因座的遗传多态性

谢小冬1, 王勋陵1, 何晓玲1, 任桂芳2, 李小林2

1.兰州大学生命科学学院;兰州 730000; 2.甘肃省公安厅法医室;兰州 730030

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过D16S539、D7S820和D13S3173个STR基因座复合扩增,采用高分辨率的聚丙烯酰胺变性测序胶电泳分离,银染检测,对129名无关甘肃藏族个体进行遗传多态性研究。所有基因座经检验均符合Hardy-Weinberg平衡。在藏族人群中,观察杂合率分别是73.3%、81.4%和80.6%;PIC值分别是0.84、0.80和0.83;联合识别率是0.9999,联合亲子关系指数是7.09。结果显示该复合扩增体系在藏族人群中等位基因分布较好,适于法医个体识别及遗传学、人类学相关研究。所得数据与以前报道的汉族数据相比较,除D16S539基因座外,未发现显著差异性。

关键词 [群体遗传](#) [复合扩增](#) [D16S539](#) [D7S820](#) [D13S317](#) [藏族](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(172KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“群体遗传”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [谢小冬](#)
- [王勋陵](#)
- [何晓玲](#)
- [任桂芳](#)
- [李小林](#)