

以双脱氧链终止法测定dG、dC接尾的cDNA克隆序列

宋一鸣 石成华

军事医学科学院基础医学研究所, 北京

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 组建重组克隆常采用均聚加尾法,即以dG尾加在经Psi I酶切的质粒载体上,dC尾加在待克隆的双链。DNA分子上,这样产生的带有均聚尾的重组克隆给双脱氧链终止法 [2, 3]侧定序列带来很大的困难,即接尾后的序列往往不能阅读。我们对序列测定的某些步骤进行了修改,使接尾后的序列清晰可读。

关键词

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 无 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [宋一鸣 石成华](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者