

中国广西壮族9个STR基因座遗传多态性研究

金天博1, 高雅1, 赖江华1, 陈腾1, 朱波峰1, 胡松年2, 李生斌1

1.西安交通大学部级法医学重点实验室;西安 710061; 2.北京华大基因中心;北京 101300

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 选择9个STR基因座(D3S1358、vWA、FGA、TH01、TPOX、CSF1PO、D5S818、D13S317、D7S820),采用四色荧光标记STR基因扫描技术,对中国广西壮族的群体遗传多态性进行研究.检测91名无关个体血液样本,共检出62种等位片段,其频率分布在0.0054~0.5495之间;检出169种基因型,其频率分布在0.0110~0.3297之间.9个STR基因座的基因型频率期望值与观察值均符合Hardy-Weinberg平衡定律($P>0.05$).9个基因座多态信息量(polymorphic information content) $PIC\geq 0.6088$,杂合度(heterozygosity) $H\geq 0.6174$,个体识别力(discrimination power) $DP\geq 0.8028$,非父排除率(probability of paternity exclusion) $PPE\geq 0.8165$.计算种族、民族之间的遗传距离并对之进行比较,结果显示,中国广西壮族与美国白人及美国黑人存在显著差异,与黑人之间的差异大于与白人之间的差异;广西壮族与西安汉族的关系近于与其他少数民族的关系.种族民族之间的聚类分析结果显示,现有资料分为黑种人、白种人和黄种人(我国各民族)3类.

关键词 [中国壮族](#) [STR](#) [民族起源](#) [遗传距离](#) [聚类分析](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(134KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“中国壮族”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [金天博](#)
- [高雅](#)
- [赖江华](#)
- [陈腾](#)
- [朱波峰](#)
- [胡松年](#)
- [李生斌](#)