

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 中国明对虾AFLP分子标记遗传连锁图谱的构建

作者: 王伟继 孔 杰 董世瑞 栾 生 王清印

中国水产科学研究院黄海水产研究所

摘要: 以中国明对虾抗WSSV(白斑综合症病毒, White Spot Syndrome Virus)选育群体第四代为母本, 野生中国明对虾为父本, 采用单对杂交方式产生F₁代, F₁代个体姊妹交产生F₂代共42个个体为做图群体。62对AFLP选择性引物组合共产生529个分离位点, 符合1:1孟德尔分离类型位点共253个, 3:1孟德尔分离类型位点共276个。利用拟测交理论分别构建中国明对虾雌虾、雄虾的遗传连锁图谱, 利用F₂自交模型构建共同的AFLP分子标记连锁图谱。三张连锁图上分别有31、25和44个连锁群, 图谱分辨率为分别为2.4 cM、2.4 cM和2.1 cM。标记间隔距离分别为12.20 cM、11.45 cM和11.12 cM图谱覆盖率分别达到50.21%、51.93%和48.08%。能够基本满足进行QTL(数量性状位点, Quantitative Trait Locus)定位的需要。将该图谱和其它对虾类遗传连锁图谱进行了比较分析, 探讨了利用相关分子标记将已有图谱进行整合的可能[动物学报52(3):575-584,2006]。

关键词: 中国明对虾, AFLP分子标记, 遗传连锁图谱

通讯作者: 王伟继 (E-mail: wangwj@ysfri.ac.cn)。

这篇文章摘要已经被浏览 554 次, 全文被下载 384 次。

[下载PDF文件 \(1366128 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>