

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 乙酰乳酸合成酶基因在芸苔属栽培种内的遗传变异

作者: 李汝刚 James R. McPerson Stephen Kresovich
中国农业科学院生物技术研究中心, 北京

摘要: 利用乙酰乳酸合成酶 (acetolactate synthase, ALS) 基因开发抗除草剂的转基因植物引起了植物分子生物学家的广泛兴趣。了解农业上重要物种中 ALS 基因的结构、组织、功能及其遗传变异是十分必要的。在芸苔属植物中, ALS 基因以多基因家族的形式存在。本研究采用 PCR 技术试图: 1) 揭示 ALS 基因在芸苔属 3 个栽培种 (*Brassica rapa*, *B. oleracea* 和 *B. napus*) 间的遗传变异; 2) 确定在种、亚种和品种 3 个水平上 ALS 基因变异的分布; 3) 评价利用由 ALS 基因产生的遗传标记区分 *B. napus* 品种的可行性。研究表明, ALS 基因在芸苔属亚种间和品种间存在广泛的遗传变异, 但遗传变异的程度在不同的种内各有不同; 在亚种水平上, *B. oleracea* 种内的遗传变异比 *B. napus* 种内的遗传变异低, 但比 *B. rapa* 种内的遗传变异高; 在 *B. napus* 品种间发现了相当大的遗传变异, 表明 ALS 基因可用于区分 *B. napus* 的品种。

关键词: 芸苔属, 乙酰乳酸合成酶, 遗传变异

这篇文章摘要已经被浏览 1000 次, 全文被下载 849 次。

[下载PDF文件 \(199943 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcx@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>