

应用cDNA芯片分析79个新基因的人胚组织表达谱

The 79 Novel Genes Expression Pattern in Human Fetal Tissues was Monitored by Using cDNA Microarray

投稿时间: 2000-10-8 最后修改时间: 2000-12-12

稿件编号: 20010422

中文关键词: [cDNA芯片](#) [新基因](#) [表达序列标签 \(EST\)](#) [差异表达RNA分析](#)

英文关键词: [cDNA chip](#) [novel genes](#) [expressed sequence tag \(EST\)](#) [differential expression](#) [Northern analysis](#)

基金项目: 国家自然科学基金重点项目(39889001).

作者	单位
马淑华	军事医学科学院放射医学研究所, 北京 100850
王敦成	军事医学科学院基础医学研究所, 北京 100850
邹宗亮	军事医学科学院放射医学研究所, 北京 100850
沈信奇	军事医学科学院基础医学研究所, 北京 100850
王升启	军事医学科学院放射医学研究所, 北京 100850

摘要点击次数: 92

全文下载次数: 30

中文摘要:

大规模cDNA测序和生物信息技术相结合, 得到来自于商品化的人胚肾cDNA文库79个代表新基因的表达序列标签(EST). 随后, 采用高速度机械手制备这些cDNA的基因芯片, 用于鉴定79个新基因的ESTs在20周、26周两个胚胎时期6种组织中的基因表达状况, 以研究这些EST片段代表的新基因功能提供线索. 通过芯片杂交及结果分析, 得到同一个组织两个不同时相8个差异表达的基因, 随后的RNA印迹分析的结果与芯片杂交的结果相一致.

英文摘要:

79 EST fragments which represents corresponding novel genes were obtained by sequencing and bioinformatics analysis of human fetal kidney cDNA library. Microarray was prepared by using these novel EST fragments by automatic spotting. Expression patterns of 79 ESTs of novel genes from human fetal kidney were analyzed in fetal brain and fetal heart tissues of 20-week-age and 26-week-age fetus by performing of cDNA chip hybridization. This provides clues for studying exact functions of the novel genes. 8 genes were obtained which were expressed differentially in the fetal brain and heart of 20-week- and 26-week-age respectively. Then differentially expressed genes were identified by Northern analysis. The more exact function of the novel genes are under study.

[查看全文](#)

[关闭](#)

[下载PDF阅读器](#)

您是第372064位访问者.

主办单位: 中国科学院生物物理研究所和中国生物物理学会 单位地址: 北京市朝阳区大屯路15号
服务热线: 010-64888459 传真: 010-64889892 邮编: 100101 Email: prog@sun5.ibp.ac.cn
本系统由勤云公司设计, 联系电话: 010-62862645, 网址: <http://www.e-tiller.com>
京ICP备05002794号