

序列同源性分析软件Blast的WEB界面构建及其应用

Construction and Application of the WEB Interface of Blast Package

投稿时间: 2001-3-7 最后修改时间: 2001-5-17

稿件编号: 20010634

中文关键词: [微机](#) [Linux操作系统](#) [局域网](#) [Blast软件](#) [WEB界面](#) [生物信息学](#)

英文关键词: [microcomputer](#) [Linux operating system](#) [intranet](#) [Blast software](#) [WEB interface](#) [bioinformatics](#)

基金项目: 军事医学科学院科技创新研究启动基金(9905105)、国家自然科学基金项目(39900041, 39900074)与重点项目(39730310)、国家“863”项目(863-102-10-04-04)部分资助。

作者	单位
张成岗	军事医学科学院放射医学研究所基因组学与蛋白质组学研究室, 北京 100850
张利达	华中农业大学作物遗传改良国家重点实验室, 武汉 430070
欧阳曙光	军事医学科学院放射医学研究所基因组学与蛋白质组学研究室, 北京 100850
张启发	华中农业大学作物遗传改良国家重点实验室, 武汉 430070
贺福初	军事医学科学院放射医学研究所基因组学与蛋白质组学研究室, 北京 100850

摘要点击次数: 91

全文下载次数: 4

中文摘要:

基于局域网(Intranet)内的PC/Linux服务器, 构建了序列同源性分析软件Blast的WEB界面. 局域网内的所有计算机均可通过WEB方式访问该服务器进行公共数据库和自建数据库的查询, 具有保密、高效、免费的优点, 能够满足实验室和研究院所的大规模、快速数据分析任务.

英文摘要:

Based on a microcomputer installed with the Linux operating system and integrated with the intranet environment, the Blast software with the WEB interface was constructed for visualized sequence similarity analyze. All of the users in the intranet could visit the WEB Blast server using WEB-browser to analysis their sequence easily. The databases to be searched might be either the public database such as EMBL or GenBank nucleic acid sequence database and SwissProt amino acid sequence database or the private sequence databases prepared by themselves. Result demonstrated that this intranet WEB Blast environment is very useful in large-scale nucleic acid sequences and amino acid sequences analysis.

[查看全文](#)

[关闭](#)

[下载PDF阅读器](#)

您是第377046位访问者.

主办单位: 中国科学院生物物理研究所和中国生物物理学会 单位地址: 北京市朝阳区大屯路15号
服务热线: 010-64888459 传真: 010-64889892 邮编: 100101 Email: prog@sun5.ibp.ac.cn
本系统由勤云公司设计, 联系电话: 010-62862645, 网址: <http://www.e-tiller.com>

京ICP备05002794号