

研究论文

濒危物种——巴东木莲等位酶遗传变异的空间自相关分析

何敬胜, 李作洲, 黄宏文

中国科学院武汉植物园, 湖北 武汉430074

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2005-5-18 11:00:00 接受日期

摘要 采用空间自相关分析方法对巴东木莲目前残留的两个最大居群, 小溪居群的40个个体和桑植居群的28个个体等位酶遗传变异的空间结构进行了研究, 以揭示两居群遗传变异的空间模式, 并探讨其形成机制及与巴东木莲致濒原因、过程之间的关系。根据检测出来的8个酶系统的19个酶位点, 选择基因频率大于0.1小于0.9的等位基因, 运用等样本频率和等地理距离间隔两种方法分别计算两居群不同距离等级下的Moran's I空间自相关系数。结果表明: 小尺度的小溪居群等位基因的遗传变异缺乏空间结构, 为随机分布模式。巴东木莲生境片断化的桑植居群则是相反的结果, 遗传变异存在明显的空间结构, 遗传变异空间分布为斑块状。造成这种差别的原因可能是桑植居群片断化和地理隔离造成的基因流的限制。上述结果为进一步制定有效的巴东木莲的保育措施提供科学的理论依据。

关键词 [空间自相关系数](#) [空间遗传结构](#) [保护生物学](#)

分类号

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(269KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ 本刊中 包含“[空间自相关系数](#)”的 [相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [何敬胜](#)

· [李作洲](#)

· [黄宏文](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者