

河南汉族群体6个STR基因座遗传多态性研究

司艳梅, 郝冰涛, 李怡, 王应太, 朱文玉, 杨艳丽, 廖世秀, 黄飞飞, 王兆才

河南省人民医院省医学遗传研究所; 郑州 450003

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 对河南省河南籍汉族群体的6个短串联重复序列(Short tandem repeats, STR)基因座等位基因频率进行研究, 得到河南籍汉族群体F13A1、F13B、D8S1179、CSF1PO、D5S818、TPOX基因座的群体遗传学数据。EDTA抗凝血样采自河南122名无血缘关系的汉族个体, 采用Chelex法抽提DNA, PCR扩增, 非变性聚丙烯酰胺垂直凝胶电泳, 银染显色分析。得到6个基因座的等位基因频率, 各基因座的杂合度分别为: 0.62、0.46、0.83、0.59、0.78、0.65; 个体识别率分别为: 0.78、0.66、0.95、0.79、0.92、0.82。6个STR基因座具有较高的杂合度, 等位基因分布符合Hardy-Weinberg平衡, 是较理想的遗传标记, 可用于法医学个体识别和亲权鉴定。

关键词 [短串联重复](#) [聚合酶链反应](#) [遗传多态性](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(234KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“短串联重复”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [司艳梅](#)
- [郝冰涛](#)
- [李怡](#)
- [王应太](#)
- [朱文玉](#)
- [杨艳丽](#)
- [廖世秀](#)
- [黄飞飞](#)
- [王兆才](#)