

染色体核型分析的扫描显微分光光度法

张丰德, 安祝平, 岳慧琴, 陈瑞阳

南开大学生物系, 天津

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 核型分析是鉴别染色体进行配对分类的基本技术。关于人类染色体的命名和形态描述已经开过六次国际会议, 会议规定对无带染色体的形态描述, 主要参数是相对长度、臂比和着丝粒指数。核型分析的关键是准确地测定染色体的长度, 精确地找出着丝粒的位置。现在通用的测量方法是对显微放大照片的手工量度, 比较精确的是采用投影法手工描绘[1]。后者虽可得到误差0.1 Jzm的数据, 但准确地测定着丝粒的位置, 精确地测量短臂(P)、长臂(q)的长度也有困难, 特别是遇到弯曲的染色体标本就更加困难。我们试用扫描显微分光光度计, 对人类染色体进行了初步测定, 无论是平展的, 还是弯曲的染色体标本都可准确地测出P/q的长度, 从而进行核型分析。

关键词

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 无 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [张丰德](#)
 - [安祝平](#)
 - [岳慧琴](#)
 - [陈瑞阳](#)