

RAP-PCR技术及其应用 RAP-PCR,from Theory to Applications

李智1, 李强1, 孙春晓1, 于常海1, 2 LI Zhi1, LI Qiang1, SUN Chun-xiao1, Albert C. H. Yu1, 2

1.中国科学院上海生命科学研究中心上海 200031; 2.香港科技大学生物系,香港 1.Laboratory of Neuronal Injury and Regeneration,Shanghai Research Center of Life Sciences,Chinese Academy of Sciences,Shanghai 200031,China; 2.Department of Biology,Hong Kong University of Sciences and Technology,Hong Kong,China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 RAP-PCR是以PCR为基础构建RNA指纹图谱,研究基因差异表达的有效方法.所显示的种系特异性差异可用于对基因的遗传作图;所揭示的组织特异性差异可用于研究特异基因的表达.该法可检测各种情形下RNA群体间的差异.本文简介其基本原理及在基因差异表达研究领域的最新应用。

Abstract: RAP-PCR is a useful method based on PCR to display fingerprint of RNA populations and to study differential gene expression. The strain-specific differences revealed should be useful for genetic mapping of genes. The tissue-spe-cific differences revealed might be useful for studying differential gene expression. In this review, we introduce the theory of RAP-PCR and its recent applications.

关键词 [RAP-PCR](#) [基因差异表达](#) [基因克隆](#) **Key words** [RAP-PCR](#) [differential gene expression](#) [gene cloning](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(0KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ 本刊中 包含“[RAP-PCR](#)”的
[相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [李智](#)

· [李强](#)

· [孙春晓](#)

· [于常海](#)

· [LI Zhi](#)

· [LI Qiang](#)

· [SUN Chun-xiao](#)

· [Albert CHYu](#)

·