

# 个体近交系数的BASIC电算程序<sup>1)</sup>

师守壁

北京农业大学畜牧系

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 在高等动植物的遗传改良中,人们经常通过近交选育出遗传优秀的个体。为度量生物个体的近交程度,需根据谱系估计生物个体的近交系数。估计个体近交系数的一般原理和方法已经解决,有关论述可参阅吴仲贤著《统计遗传学》一书。本文主要是依据一般原理和方法,研讨如何应用微型电子计算机准确、快速地计算出任何系谱上全部个体的近交系数以及全部个体间的亲缘系数,并提供各种型号微型机均可使用的BASIC 语言软件程序与具体方法。

**关键词**

**分类号**

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 无 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
  - [师守壁](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者