

中国普米族、傈僳族STR遗传多态性研究

赖江华, 陈艳炯, 朱波峰, 郑海波, 张保华, 李生斌

西安交通大学医学院法医系;西安 710061

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用荧光标记STR基因扫描技术对普米族和傈僳族进行了STR多态性调查。9个STR基因座在普米族群体中, 检出85个等位基因、194种基因型, 其频率分布在0.0050-0.5250和0.0098-0.3235。在傈僳族群体中, 共检出63个等位基因、145种基因型, 其频率分布在0.0050-0.4802和0.0099-0.3664。 χ^2 检验表明, 各基因座的基因型分布符合Hardy-Weinberg平衡定律($P>0.05$)。统计学结果显示, 这些遗传标记在普米族和傈僳族群体中, 杂合度均大于0.6, 平均多态信息量高于0.7, 个体识别力在0.8以上, 非父排除率也都超过了0.5。说明实验所选STR标记对民族群体遗传学研究是极有价值的。

关键词 [STR](#) [遗传多态性](#) [普米族](#) [傈僳族](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(248KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“STR”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [赖江华](#)
- [陈艳炯](#)
- [朱波峰](#)
- [郑海波](#)
- [张保华](#)
- [李生斌](#)