

二倍体华中铁角蕨 *Asplenium sarelii* Hppk. 的等位酶遗传变异

王可青, 王中仁, 张方

中国科学院植物研究所系统与进化开放实验室; 北京 100093

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过等位酶分析, 并和同属的两个二倍体种庐山铁角蕨 *A. lushanense* 和虎尾铁角蕨 *A. incisum* 比较, 研究了二倍体华中铁角蕨 *A. sarelii* 的群体遗传结构。分析了9个酶系统共13个位点。华中铁角蕨的群体内遗传变异非常丰富: 多态位点百分率 P 为 61.5~69.2%; 每个位点的平均等位基因数 A 为 2.5~2.9; 预期杂合度 H_e 0.132~0.220。群体间的分化程度较低, 群体间变异占总变异的 11.2%; 庐山铁角蕨和虎尾铁角蕨群体间的分化程度较高, 群体间变异分别占总变异的 21.0% 和 37.0%。3个种的种间遗传一致度为 0.33~0.47, 种内群体间的遗传一致度为 0.93~0.99。固定指数 F 表明华中铁角蕨接近随机交配, 而另外两个种为近交。

关键词 [华中铁角蕨](#) [等位酶](#) [群体遗传结构](#) [遗传多样性](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(891KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“华中铁角蕨”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [王可青](#)
- [王中仁](#)
- [张方](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者