

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 利用RAPD技术对葱属品种遗传关系的分析

作者: 孟祥栋 马红 张卫华

山东农业大学园艺系, 泰安

摘要: 利用随机扩增多态性DNA (RAPD) 技术分析了我国栽培的几个主要葱属品种。所用的20个引物, 有11个能扩增出重现性好且稳定的谱带, 10个品种共扩增出102条带, 其中68条具多态性。根据DNA谱带计算的10个品种相似系数范围为0.571~0.947。对10个品种的UPGMA聚类分析表明, 章丘大葱 (*Allium fistulosum* var. *gigantum* cv. Zhangqiu Welsh onion)、天津五叶齐 (*A. fistulosum* var. *gigantum* cv. Tianjin Wuyeqi Welsh onion)、上海分葱 (*A. fistulosum* var. *caepitosum* cv. Shanghai Spring onion)、南京冬葱 (*A. fistulosum* var. *caepitosum* cv. Nanjing Winter onion) 和韩国大葱 (*A. fistulosum* var. *gigantum* cv. Korea Welsh onion) 关系较近。根据聚类结果, 将章丘大葱、天津五叶齐、上海分葱、南京冬葱、韩国大葱、细香葱 (*A. schoenoprasum*) 以及楼葱 (*A. fistulosum* var. *vi viparum*) 归为葱组; 而将胡葱 (*A. ascalonicum*)、洋葱 (*A. cepa*) 及洋葱和大葱的杂交种归为洋葱组。最后根据RAPD标记, 讨论了各品种之间的亲缘关系。

关键词: RAPD, 葱属, 遗传关系

这篇文章摘要已经被浏览 1039 次, 全文被下载 974 次。

[下载PDF文件 \(198169 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>