

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 板栗在6个同工酶位点上的遗传变异

作者: 张辉 柳鏊 Villani F

江苏省·中国科学院植物研究所, 南京

摘要: 利用水平板淀粉凝胶电泳技术检验了板栗8个居群在6个同工酶位点 (*Per-2*、*Got-2*、*Est-2*、*Gpi-2*、*Idh-1*、*Idh-2*) 上的遗传变异 (多态位点百分率为97.9%, 平均等位基因数为2.54, 平均预期杂合值为0.452)。在同一水平上, 其遗传多样性水平显著高于欧洲栗。总的基因多样性中, 89.2%发生在居群内, 10.8%发生于居群间, 各居群之间的遗传距离为0.036~0.394, 有些居群分化较大, 尤其在个别位点上更为明显。初步研究表明, 其丰富的遗传变异及其高水平的分化度可能与其生境的多样性、风媒异交等因素造成的长距离的基因漂变有关。

关键词: 板栗, 等位酶, 遗传变异

这篇文章摘要已经被浏览 993 次, 全文被下载 753 次。

[下载PDF文件 \(140473 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcxb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>