

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 等位酶分析的遗传学基础*

作者: 王中仁

中国科学院植物研究所系统与进化植物学开放实验室, 北京

摘要: 在等位酶分析中, 对酶谱的正确解释是获取遗传学资料的基础, 酶谱作为酶基因的表现型, 是由该种酶蛋白质的四级结构情况(亚基的数目)、在亚细胞分室中的分布(位点的数目)以及所分析样品的倍性和基因型的情况所决定的。术语“酶型”被建议用来记录和描述各种情况下的酶谱的不同。在进行生物多样性和分子系统学研究中, 如果直接把酶谱上带的数目的多少作为遗传多样性大小的指标, 或把带的多少及迁移率的大小作为数量性状进行聚类和分枝分析将会得出非常错误的结论。

关键词: 等位酶分析, 同功酶, 酶型, 遗传多样性, 分子系统学

这篇文章摘要已经被浏览 973 次, 全文被下载 652 次。

[下载PDF文件 \(580531 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcxh@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>