新闻 NEWS

科学网首页>新闻中心>正文

生命科学 医药健康 基础科学 工程技术 信息科学 资源环境 前沿交叉 政策管理

作者: 姜澎 董少校 冯国鄞 来源: 文汇报 发布时间: 2009-3-2 15:26:18

小字号

中字号

大字号

《自然》: 贺林小组成功破解短指症致病机理

人类家族性A1型短指(趾)症,是遗传疾病的百年之谜。经过长达8年的艰苦钻研,上海交通大学贺林院士领衔的科研团队成功揭示了该症的致病机理。国际权威杂志《自然》在今天(北京时间3月2日)凌晨发布的最新一期期刊上,发表了贺林科研团队的研究论文《IHH基因点突变通过改变IHH蛋白信号能力和信号距离导致指(趾)畸形》,完美地讲述了A1型短指(趾)症的百年故事。

人类家族性AI型短指(趾)症,是1903年发现的第一例符合孟德尔遗传规律的常染色体显性遗传病,主要表现为患者的中间指(趾)节缩短,甚至与远端指(趾)节融合。该病长期以来作为典型案例出现在各国遗传学和生物学教科书中,世界各国科学家都在根据自己掌握的病例家系寻找致病基因,却屡遭失败。参与竞争行列的贺林科研团队,8年前首次发现AI型短指(趾)症致病基因——IHI基因后,此番再次取得重要成果,最终成功揭开了遗传疾病的百年之谜。

早在2000年,贺林教授就带领当时的上海交通大学/中国科学院上海生命科学研究院"神经精神病和人类遗传学联合研究室",把A1型短指(趾)症致病基因定位于2号染色体长臂的特定区域,这为致病基因的确定打下了坚实基础,该项成果于当年发表在《美国人类遗传学杂志》上。2001年,研究进一步深入,发现并克隆了导致A1型短指(趾)症的IHH基因,首次将IHH基因控制骨骼发育的动物研究结论延伸到了人类,并发现了该基因的点突变直接导致人类骨骼疾病,成果被《自然一遗传学》杂志发表,对遗传生物学界影响广泛。

这次最终揭示A1型短指(趾)症致病机理的研究,由贺林科研团队与香港大学等密切合作,科研人员通过对短指(趾)小鼠模型的"体内"和细胞的"体外"研究,发现了A1型短指(趾)症致病基因IHH的点突变,造成骨骼组织中Hedgehog信号能力和信号范围发生改变,最终导致中间指(趾)节的严重缩短甚至消失。研究成果不仅清晰地阐述了A1型短指(趾)症发生的分子机制,而且发现IHH基因可能参与指骨的早期发育调控,开拓了IHH基因在骨骼生长发育中新的角色,为现代遗传发育生物学增添新的内容,对肢体和骨骼发育生物学有着重要的意义,也为相关骨骼疾病的科学研究和临床诊断提供了有力依据。

由此,A1型短指(趾)症的研究经历了最初致病基因的定位、找寻、确定、克隆,到最后致病机理得到阐述,完整地解答了一个遗传疾病的百年之谜。

耐得寂寞,持之以恒,是贺林院士领衔科研团队最终摘得科研成果的关键。据悉,贺林院士在基因定位成果发表前,就已开始寻找和克隆基因的工作;在基因克隆相关的成果发表前,他便踏上了研究致病机理的征程。当时正处于人类基因组计划即将完成之际,人们对基因功能的大范围研究刚刚起步,内地还不具备进行小鼠模型研究的能力。于是,贺林院士的团队在世界范围内搜索研究骨骼功能的课题组,在考虑尽可能使知识产权中国化和交流便捷等因素之后,把合作对象锁定在香港大学。贺林院士派上海交通大学Bio-X中心两位研究生高波和胡建新前往香港,作为核心力量开展动物模型的"体内"研究。同时在上海交大组织另一支科研队伍,开展细胞"体外"研究。一内一外,相互配合,一干就是8年。

更多阅读

《自然》发表论文摘要(英文)



关于我们 | 网站声明 | 服务条款 | 联系方式 | 电子地图 京ICP备07017567 Copyright @ 2007 科学时报社 All Rights Reserved