

研究论文

云南灯盏花遗传变异的RAPD分析

周利杰, 李南高, 虞泓

云南大学生命科学学院生态学实验室, 云南 昆明650091; 云南英茂生物技术实验室, 云南 昆明650106; 昆明制药集团有限公司, 云南 昆明650100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2005-3-1 14:15:00 接受日期

摘要 运用RAPD(random amplified polymorphic DNA)技术对云南灯盏花(*Erigeron breviscapus*)6个居群进行分析, 研究其遗传变异及遗传结构, 用外类群紫菀对比分析其亲缘关系。随机挑选16个引物在6个居群中共产生233条DNA片段, 其中192条带具有遗传多态性, 约占82.40%。多态位点百分比PPB、等位基因数A、有效等位基因数Ae、Nei's基因多样性指数H和Shannon多样性指数I在物种水平分别为82.40%、1.8240、1.3005、0.1896、0.3021; 居群的平均值分别为54.23%、1.5401、1.2691、0.1607、0.2460。灯盏花的遗传多样性较丰富, 基因分化系数Gst值为0.3460, 有65.40%的变异来自居群内, 6个居群的遗传一致度较高, 在0.9037~0.9723之间, 平均为0.9410。利用UPGMA对6居群聚类分析, 结果表明: 丘北居群(YB)和文山居群(YX)亲缘关系最近, 小哨居群(Y)和新平居群(YA)次之, 丘北居群(YB)和腾冲居群(ZA)亲缘关系最远。遗传关系与各居群地理分布区间的距离大致成正相关。

关键词 [灯盏花](#) [RAPD](#) [遗传多态性](#)

分类号

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(204KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“灯盏花”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [周利杰](#)

· [李南高](#)

· [虞泓](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者