

生物技术·遗传育种

扩展功能

本文信息

- [Supporting info](#)
- [PDF\(518KB\)](#)
- [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

► 参考文献

服务与反馈

- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [复制索引](#)
- [Email Alert](#)
- [文章反馈](#)
- [浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中包含“金鱼草”的相关文章](#)

► 本文作者相关文章

- [吴福川](#)
- [胡秀](#)
- [郑思乡](#)

不同倍性金鱼草基因组DNA

吴福川¹,胡秀²,郑思乡^{1,3*}

- (1. 云南农业大学园林园艺学院, 云南 昆明 650201;
2. 西南林学院, 云南 昆明 650224;
3. 云南玉溪雷森科技有限公司, 云南 玉溪 650031)

收稿日期 2005-1-10 修回日期

摘要 利用25个10碱基的引物, 对金鱼草3个不同花色品系的二倍体及其同源四倍体基因组DNA进行随机扩增(RAPD)。结果表明: 二倍体与其同源四倍体金鱼草指纹图谱的差异, 随不同花色品系及不同引物而变化; 四倍体金鱼草在诱导过程中除了染色体数目加倍外, 基因组DNA的核苷酸碱基序列也可能改变, 这为培育四倍体金鱼草新品种提供了丰富的育种资源。指纹图谱的建立为金鱼草新品种的鉴定提供分子水平的依据, 为新品种保护奠定初步基础。

关键词 [金鱼草](#) [RAPD](#) [多倍体](#) [指纹图谱](#)

分类号 [S 681.9](#)

Study on Randomly Amplified Polymorphic Genome DNA of Diploid and Tetraploid *Antirrhinum majus*

WU Fu-chuan¹, HU Xiu², ZHENG Si-xiang^{1,3}

- (1. College of Landscape and Horticulture, Y A U, Kunming 650201,China;
2. Southwest Forestry College, Kunming 650224,China;
3. Yunnan Yuxi Leisen Science and Technology Limited Company, Yuxi
650031,China)

Abstract

With 25 10-basic primers, the genomes DNA of three groupes of diploid and tetraploid *Antirrhinum majus* were randomly amplified. The results showed the fingerprinting of diploid *Antirrhinum majus* and that of its autotetraploid were different with cultivars and primers; The DNA sequences were changed besides polyploidy during polyploidy induction on *Antirrhinum majus*. So the abundant germresource was offered for breeding new cultivars. The fingerprinting can offer molecular evidence for identifying new cultivars of *Antirrhinum majus* and establish the basis for protecting new cultivars.

Key words [Antirrhinum majus](#) [RAPD](#) [polyploid](#) [fingerprinting](#)

DOI:

通讯作者 郑思乡