

研究论文

濒危物种山红树居群遗传结构的RAPD分析

苏志龙, 殷寿华, 吴成军, 程在全

中国科学院西双版纳热带植物园, 云南 勐仑666303; 云南省农业科学院生物技术研究所, 云南 昆明 650223; 中国科学院研究生院, 北京100039

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2005-5-18 11:20:00 接受日期

摘要 利用RAPD分子标记检测了云南省3个山红树居群的遗传多样性和居群遗传结构。10个引物共检测到54个位点, 其中多态位点11个, 占20 37%。与其他的濒危物种相比, 山红树居群内的遗传多样性很低, 居群间的遗传分化很大(78 65%)。大量经济植物的种植加上人为的破坏, 使山红树的生境遭到严重破坏, 数量大为减少, 可能导致了山红树遗传多样性的丧失、居群间较高的遗传分化。基于以上结果, 探讨了山红树进一步的迁地保护措施。

关键词 [山红树](#) [遗传多样性](#) [迁地保护](#) [居群遗传结构](#) [RAPD](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 苏志龙; 殷寿华; 吴成军; 程在全

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (183KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“山红树”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [苏志龙](#)
- [殷寿华](#)
- [吴成军](#)
- [程在全](#)