

研究论文

姜花属SRAP 分子标记连锁图谱构建

高丽霞¹, 刘念², 黄邦海³

1 河池学院化学与生命科学系, 广西宜州 546300; 2 仲恺农业工程学院, 广东广州 510225; 3 广州市农业技术推广中心, 广东广州 510520

收稿日期 2009-2-26 修回日期 网络版发布日期 接受日期 2009-4-9

摘要 采用拟测交作图策略, 利用白姜花×圆瓣姜花的F1 群体87 个单株, 分别构建了父母本的基于SRAP标记的连锁图谱。通过筛选, 414 对引物中, 92 对引物可以检测到拟测交位点。在检测到的398 个拟测交位点中, 237 个来自于父本圆瓣姜花, 161 个来自于母本。经过卡方(χ^2) 测验及连锁分析, 父本中, 203 个标记进入23 个连锁群, 覆盖了1 386. 8 cm; 母本中, 139 个标记进入18 个连锁群, 覆盖了917. 1 cm。

关键词 [F1 群体](#) [连锁图谱](#) [拟测交作图](#)

分类号 [Q 943](#)

DOI: 10.3724 SP.J.1143.2009.09036

通讯作者:

刘念

作者个人主页: [高丽霞¹](#); [刘念²](#); [黄邦海³](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(321KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“F1 群体”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [高丽霞](#)

· [刘念](#)

· [黄邦海](#)