

采用空间自相关分析研究两种兰科植物的群体遗传结构

李昂, 罗毅波, 葛颂

(中国科学院植物研究所系统与进化植物学重点实验室, 北京 100093)

收稿日期 2002-3-1 修回日期 2002-6-20 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用空间自相关分析方法对硬叶兜兰 (*Paphiopedilum micranthum*) 和独花兰 (*Changnienia amoena*) 4个天然群体的小尺度空间遗传结构进行了研究, 以探讨两种兰科植物群体内遗传变异的分布特征及其形成机制。根据来自12个(硬叶兜兰)和16个(独花兰)RAPD引物所提供的多态位点, 计算出每个群体的空间自相关系数 *Moran I* 值。结果表明, 在2个硬叶兜兰群体中, 遗传变异在短距离(3~4 m)内表现出显著的正相关, 在较大的距离内表现出显著的负相关, 说明其遗传变异在群体内形成一定的空间结构。而对独花兰的空间自相关分析则显示, 其遗传变异在参与计算的2个群体内不存在明显的空间结构。造成上述两种兰科植物具有不同空间分布特性的原因可能与其不同的繁殖方式有关。上述研究结果有助于进一步了解物种的进化历程和濒危机制, 并为制定有效的保护策略和措施提供科学依据。

关键词 [RAPD](#) [保护遗传学](#) [硬叶兜兰](#) [独花兰](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

葛颂 gesong@ibcas.ac.cn

作者个人主页: [李昂](#); [罗毅波](#); [葛颂](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (342KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“RAPD”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [李昂](#)

· [罗毅波](#)

· [葛颂](#)