

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 不同地理区域蛤蚧的RAPD分析

作者: 秦新民, 梁燕妮, 黄夕洋, 庞广福

广西师范大学生命科学学院 桂林 541004

摘要: 应用随机扩增多态性DNA (RAPD) 技术, 对6个不同地域(河池、南宁、桂林、百色、越南、泰国)的蛤蚧 (*Gekko gekko*) 进行了遗传多样性和系统发育分析。21个RAPD引物共扩增了218个位点, 片段大小在200~2 000 bp, 其中184个是多态位点, 占84.4%。地域之间的遗传距离指数在0.011 2~0.963 1, 遗传相似性系数在0.381 7~0.988 8之间, 根据遗传距离指数和遗传相似性系数, 用NTSYSpc 2.10软件包中的UPGMA法构建了系统聚类图, 结果均显示南宁地区、桂林地区、百色地区和河池地区先聚在一起, 再和越南聚在一起, 最后和泰国群体聚类。这与形态地理分布特征相一致。

关键词: 随机扩增多态DNA; 遗传相似性; 遗传距离

这篇文章摘要已经被浏览 31 次, 全文被下载 9 次。

[下载PDF文件 \(30429 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>