

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 粉拟青霉种内nrDNA ITS分析

作者: 黄勃 王成树 王滨 樊美珍 李增智

安徽农业大学微生物防治省重点实验室, 合肥

摘要: 通过对20株粉拟青霉 (*Paecilomyces farinosus*) ITS1-5.8S-ITS2 (rDNA) 区域序列测定, 确定了粉拟青霉ITS序列, 而韩国学者测定的粉拟青霉ITS序列应为细脚拟青霉 (*P. tenuipes*) 的序列。序列比较发现, 韩国2株未定名的拟青霉 (*Paecilomyces* spp.) 菌株 (KACC40219、KACC40221) 应为粉拟青霉。基于本研究构建的邻接树推断, 粉拟青霉的有性型可能是一种虫草。粉拟青霉的起源应为单源的。不同的粉拟青霉菌株的ITS序列具有多态性, 源于同一地区的菌株的ITS变异也较大。ITS序列的证据表明, 粉拟青霉菌株间的差异与地理来源及寄主均无相关性。

关键词: 粉拟青霉, 邻接树, 内转录间区, 多态性

通讯作者: 李增智 (E-mail: zzli@ahau.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 1049 次, 全文被下载 910 次。

[下载PDF文件 \(297104 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>