

蝗总科部分种类等位基因酶的比较研究

乔海暄¹, 段毅豪², 马恩波¹, 韩焱¹

1.山西大学生命科学与技术学院;太原030006; 2.山西大学环境科学系;太原 030006

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用水平淀粉凝胶电泳技术对采自山西太原黄陵、山西临猗伍姓湖及山西雁门关两科4种蝗虫的4个等位基因酶位点的基因频率进行了比较研究,并用BIOSYS-II软件进行结果分析。结果表明:所研究种群的苹果酸脱氢酶(MDH)都存在两个位点,中华稻蝗的MDH-1还存在两条亚带。在所研究种群中的MDH-1图谱中,一个中等迁移率的谱带存在于所研究的4个种群中。东亚飞蝗在乳酸脱氢酶(LDH)和苹果酸酶(ME)中存在两个固定的等位基因,同时黄胫小车蝗在MDH-1中存在一个固定的等位基因,在MDH-2中存在一个独特的等位基因。在所有4个种群中,中华稻蝗遗传多样性水平最高(每个位点的等位基因数为3个, $H_e=0.220$),黄胫小车蝗遗传多样性水平最低(每个位点的等位基因数为1.5个, $H_e=0.013$)。除中华稻蝗的MDH-1和LDH处于哈代-温伯格平衡,其余种群的4个位点的等位基因频率均不同程度的偏离哈代-温伯格平衡。等位酶数据表明这4个种群在系统发育关系方面是相近的,但在遗传多样性水平上却不同。

关键词 [蝗总科](#) [等位酶](#) [系统关系](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(163KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“蝗总科”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [乔海暄](#)
- [段毅豪](#)
- [马恩波](#)
- [韩焱](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者