

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 中国昆虫染色体研究现状与展望

作者: 张礼生, 张青文, 蔡青年, 徐静, 周明

摘要: 简要叙述了中国昆虫染色体研究的现状, 包括研究涉及的昆虫类群、核型分析结果、研究方法和手段、染色体有丝分裂、减数分裂、染色体形态变异、结构变异和数量变异等。我国学者对昆虫染色体研究从20世纪30年代开始, 迄今已对蜉蝣目、蜚蠊目、直翅目、半翅目、同翅目、鞘翅目、鳞翅目、双翅目、蚤目和膜翅目等10目481种昆虫的核型进行了研究, 主要集中在蝗虫、蟋类、蚜虫、蚕类、果蝇、摇蚊及实蝇等。在染色体行为方面的研究主要有: 蚕类和果蝇等有丝分裂; 蜚蠊类、蝗类、蟋类和蚕类的减数分裂及性别决定机制; 部分昆虫的联会复合体分析。染色体结构变异的研究主要集中在果蝇和蚊类昆虫的唾腺染色体; 果蝇的B染色体; 蚕类和蚊类昆虫染色体的缺失、易位和倒位等变异; 蚕蛾类的数量变异。研究结果多应用于昆虫系统分类和进化的探讨, 揭示昆虫遗传与变异规律。通过与国外研究成果对比, 提出昆虫染色体研究的必要性, 并对我国未来昆虫染色体研究进行了展望。

关键词: 昆虫; 染色体; 核型; 行为; 变异; 中国

这篇文章摘要已经被浏览 64 次, 全文被下载 39 次。

[下载PDF文件 \(758592 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>