

昆明动物所证实ZNF804A基因存在新的精神分裂症易感位点

文章来源：昆明动物研究所

发布时间：2013-07-02

【字号：小 中 大】

精神分裂症作为最严重的精神疾病之一，在近年来的遗传学研究上取得了相对较大的进展，而其中应用最广泛的分析手段便是全基因组关联分析和荟萃分析（meta-analysis）。中国科学院昆明动物研究所宿兵研究员实验室（博士研究生李明）通过文献搜索发现，ZNF804A基因内一个非同义突变位点（rs1366842）在汉族人群中可能与精神分裂症相关。该位点由西安交通大学研究小组首次报道，但是由于样本量所限，结果并不显著。宿兵研究员实验室利用荟萃分析方法，通过数据归纳（共9357个汉族样本）和整合分析对该位点进行了系统的分析，证明该位点与精神分裂症显著相关。

该研究进一步支持了ZNF804A在汉族人群中可能是一个精神分裂症易感基因。结合该实验室前期已经鉴定的基因启动子区的易感位点rs359895，他们认为ZNF804A基因内可能存在一些互相并不连锁的独立易感位点，需要进一步深入研究。

该研究结果已在线发表于*Schizophrenia Research*。该研究成果是宿兵研究员实验室对ZNF804A遗传学研究的延续工作，前期的研究结果分别发表于*American Journal of Psychiatry*（2011;168:1318-1325），*American Journal of Medical Genetics Part B: Neuropsychiatric Genetics*（2012;159B:794-802）及*PLoS ONE*（2013; 8(6):e66102）。

[论文链接](#)

打印本页

关闭本页