

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 切叶蚁亚科七属十二种的分子系统学研究

作者: 陈振鹏, 周善义*
(广西师范大学生命科学学院, 广西桂林541004)

摘要: 测定了切叶蚁亚科7属12种的线粒体CO1、CO2的部分基因及完整的tRNA_{Leu}基因DNA序列, 对DNA序列进行了分析, 对tRNA_{Leu}基因进行了二级结构分析; 根据DNA序列数据和氨基酸序列数据, 以臭蚁亚科的*Forelius chalybaeus*作为外群, 采用最大似然法(ML)、最大简约法(MP)、邻接法(NJ)、未加权组对算术平均法(UPGMA)构建分子系统树, 通过自举检验, 得到自举置信水平, 以此检验该分子系统树的可靠性。研究结果显示, 基于以上基因的分子系统分析与传统分类分析的结果基本一致, 且在属级的一致性高于种级的一致性。

关键词: 切叶蚁亚科; 线粒体DNA; 基因; 系统发育

通讯作者: 周善义 (E-mail: syzhou@mailbox.gxnu.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 131 次, 全文被下载 26 次。

[下载PDF文件 \(361632 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>