

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 青藏高原裸裂尻属鱼类两个疑难种的分子系统学

作者: 祁得林 郭松长 赵新全

中国科学院西北高原生物研究所, 西宁 810001

摘要:

裸裂尻鱼属 [*Schizopygopsis* (Steindachner)] 鱼类广泛分布于青藏高原各河流上游干支流及其湖泊之中, 由于其广泛的分布域和特殊的生态环境而被生物学家视为青藏高原隆升过程中淡水鱼类物种起源、进化的模式物种。然而, 该属鱼类种间具有非常相似的形态特征, 致使大渡软刺裸裂尻鱼

(*Sp. malacanthus chengi*) 和前腹裸裂尻鱼 (*Sp. anteroventris*) 的分类学地位一直存在争议。本文采用聚合酶链式反应 (PCR) 和直接测序的方法, 获得了裸裂尻鱼属两个分类疑难种和5个指名种 ( $n=17$ ) 以及5个近缘种 ( $n=5$ ) 共23个个体的细胞色素 *b* (Cyt *b*) 基因的全序列 (1 140 bp), 并以同亚科的齐口裂腹鱼 (*Schizothorax prenanti*) 作为外群构建了 ML、MP 和 Bayesian 进化树。序列差异和分子系统学分析表明, *Sp. malacanthus chengi* 和软刺裸裂尻鱼 (*Sp. malacanthus*) 间存在较大的差异 (2.06%), 两者并不聚在同一枝上; *Sp. anteroventris* 独立成一枝, 与其它指名裸裂尻鱼间显示出较大差异 (4.38% - 5.53%), 综合其它形态差异共同提示, *Sp. malacanthus chengi* 应提升为独立种, 沿用 *Sp. malacanthus* 的种名, 而 *Sp. anteroventris* 应该是裸裂尻鱼属的一个独立种 [动物学报 52 (6): 1058 - 1066, 2006]。

关键词: 线粒体细胞色素 *b* 基因 分类 分子系统学 裸裂尻鱼属 裂腹鱼亚科鱼类 青藏高原

通讯作者: 赵新全 (E-mail: [xqzhao@nwipb.ac.cn](mailto:xqzhao@nwipb.ac.cn)).

这篇文章摘要已经被浏览 683 次, 全文被下载 170 次。

[下载PDF文件 \(1060739 字节\)](#)

您是第: **248339** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>