

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 长蠹科几种检疫性害虫的ND4基因序列及系统进化

作者: 黄永成¹, 李伟丰¹, 陆温², 陈永久³, 张亚平³

摘要: 长蠹科昆虫严重危害林木和仓储物品。应用非损伤性DNA测序技术测定了来自不同国家的长蠹科害虫的线粒体DNA ND4 基因的部分序列。在获得的204 bp的序列中, 5种昆虫的序列变异丰富, 多数变异发生在密码子的第3位点上。用PAUP3.1.1数据分析软件构建了5个种的合意简约树。并将实验结果与形态学特征比较分析, 探讨5个种及所在属的系统进化。结果表明: 双钩异翅长蠹所在的异翅长蠹属分化最早, 其次是竹大长蠹所在的大长蠹属、双棘长蠹和黑双棘长蠹所在的双棘长蠹属及红艳长蠹所在的钻木长蠹属。双棘长蠹和黑双棘长蠹隶属同一个属, 遗传关系最近, 分化最晚, 与形态学研究结果相吻合。

关键词: 长蠹科; ND4基因; mtDNA; 系统进化

这篇文章摘要已经被浏览 43 次, 全文被下载 20 次。

[下载PDF文件 \(310930 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>