

目次

鸡基因组pre-microRNA SNP多态性

耿立英¹, 张传生^{2, 3*}, 杜立新³

1 (河北科技师范学院生命科学系, 河北昌黎 066600)

2 (河北科技师范学院动物科学系, 河北昌黎 066600)

3 (中国农业科学院北京畜牧兽医研究所国家畜禽分子遗传育种中心, 北京 100193)

收稿日期 2008-12-4 修回日期 2009-2-18 网络版发布日期 接受日期

摘要 为探讨鸡pre-microRNA SNP的多态性及其可能的功能意义, 对鸡471个pre-microRNA区域的SNP位点进行了鉴定和生物信息学分析。结果表明: pre-microRNA的SNP多态性显著地低于其侧翼区($P < 0.01$), 其种子区SNP变异对pre-microRNA二级结构稳定性的影响高于其他各区; microRNA成熟体SNP可能影响microRNA对靶基因的选择。研究结果提示: pre-microRNA相对于其侧翼区在分子进化过程中受到更大的选择压力; 成熟体SNP可通过影响microRNA加工和靶基因的选择, 改变多种生理过程, 导致鸡种间表型变异。研究结果将为鸡microRNA的进化模式研究及其功能性SNP的鉴定提供参考信息。

关键词 [小RNA](#) [生物信息学](#) [单核苷酸多态](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1003.2009.08316

通讯作者:

张传生 cszhang1976@126.com

作者个人主页: 耿立英¹; 张传生^{2, 3*}; 杜立新³

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (354KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (418KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“小RNA”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [耿立英](#)

· [张传生](#)

·

· [杜立新](#)