

鲮鱼的微卫星位点筛选和群体遗传多样性初步分析(英文)

程飞¹, 叶卫^{2,*}, 叶富良¹

1. 广东海洋大学, 广东 湛江 524025 2. 广东罗非鱼良种场, 广东 广州 511453

收稿日期 2006-10-17 修回日期 网络版发布日期 2007-4-22 接受日期 2007-1-22

摘要

利用鲤科鱼类微卫星引物在鲮鱼中进行扩增, 结果在24对引物中, 13对引物能成功扩增, 且在鲮鱼中的扩增产物表现稳定, 其中11对有较高多态性, 等位基因数在2—7个之间, 扩增的条带符合孟德尔遗传规律。随后利用筛选的微卫星座位对鲮鱼野生和养殖群体遗传多样性进行了初步分析。分析结果显示: 鲮鱼野生群体的平均等位基因数5.2个; 观测杂合度在0.25与0.8之间, 平均观测杂合度(H_o)是 0.61 ± 0.2 , 平均期望杂合度(H_e)是 0.8 ± 0.09 ; 群体座位平均多态信息含量(PIC)为 0.72 ± 0.1 。相比之下, 养殖群体的平均观测杂合度(H_o)和平均期望杂合度(H_e)都低于野生群体, 分别是 0.59 ± 0.2 、 0.75 ± 0.1 。两群体间的遗传相似度为0.7774、遗传距离为0.2518。研究表明: 用其他鱼类分离出的微卫星引物可以快速筛选到适用于鲮鱼遗传分析的微卫星座位。

关键词 [鲮鱼](#) [微卫星](#) [筛选](#) [遗传多样性](#)

分类号 [Q959.468](#)

DOI:

通讯作者:

叶卫 yewei195856@tom.com

作者个人主页: [程飞¹](#); [叶卫^{2,*}](#); [叶富良¹](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (558KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“鲮鱼”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [程飞](#)
- [叶卫](#)
- [叶富良](#)