

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 茶尺蠖小RNA病毒5'端非编码区的克隆和测序及与哺乳动物小RNA病毒的比较分析

作者: 王小纯<sup>1,2</sup>, 张珈敏<sup>1</sup>, 蒋洪<sup>1</sup>, 俞海洋<sup>1</sup>, 谭莉<sup>1</sup>, 胡远扬<sup>1\*</sup>

摘要: 用Trizol从纯化的茶尺蠖*Ectropis oblique*小RNA病毒(EoPV)中提取病毒基因组RNA, 逆转录后加poly(dT), 然后进行两步PCR扩增基因组5'端。克隆测序后, 对其5'端非编码区的核苷酸序列进行分析, 发现具有哺乳动物小RNA病毒的5'端非编码区的一些特征: A/T含量丰富、起始密码子上游AUG和小顺反子多。利用mfold预测了EoPV 5'端非编码区的二级结构, 存在4个茎环结构, 有哺乳动物内部核糖体进入位点(IRES)的保守区域, 即含保守基序GNRA的茎环A和A/C丰富的环B及多聚嘧啶区域。据此推测EoPV基因组翻译采用IRES起始机制。

关键词: 茶尺蠖小RNA病毒; 哺乳动物小RNA病毒; 5'端非编码区; 结构分析

这篇文章摘要已经被浏览 42 次, 全文被下载 17 次。

[下载PDF文件 \(427757 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>