

[本期目录] [下期目录] [过刊浏览] [高级检索]

[打印本页] [关闭]

综述

重复序列PCR(rep-PCR)指纹分析技术在病原真菌鉴定和分型中的应用

项明洁¹, 刘锦燕¹, 倪培华², 张华¹, 陈华¹, 倪语星³

1. 上海交通大学医学院附属瑞金医院卢湾分院放免检验科, 上海, 200020;
2. 上海交通大学医学院附属瑞金医院检验系, 上海, 200025;
3. 上海交通大学医学院附属瑞金医院微生物科, 上海, 200025

摘要: 随着医学科学的发展及人们对深部真菌感染的重视,越来越多的新技术用于临床真菌的检测和鉴定。重复序列PCR(rep-PCR)指纹分析技术因其高分辨力、快速、简便、经济等优势,已成为分析真菌基因组、明确菌属间克隆来源的重要方法。本文就rep-PCR指纹技术及其自动化DiversiLab System在病原真菌分类鉴定和流行病学研究中的应用加以综述。

关键词: 重复序列PCR(rep-PCR) 病原真菌 基因分型

1

Abstract:

Keywords:

收稿日期 2010-05-20 修回日期 网络版发布日期

DOI:

基金项目:

上海市卫生局资助项目(2009239);卢湾区卫生局资助项目(卢卫科08002)

通讯作者:

作者简介: 项明洁,女(汉族),硕士,主任技师.E-mail: mjxiag123456@126.com

作者Email:

参考文献:

- [1] Mohapatra BR,Mazumder A.Comparative efficacy of five different rep-PCR methods to discriminate *Escherichia coli* populations in aquatic environments[J].Water Sci Technol,2008,58(3):537-547.
- [2] Redkar RJ,Dub辰P,McCleskey FK,et al.DNA fingerprinting of *Candida rugosa* via repetitive sequence-based PCR[J].J Clin Microbiol,1996,34(7):1677-1681.

扩展功能

本文信息

► Supporting info

► PDF(KB)

► [HTML全文]

► 参考文献[PDF]

► 参考文献

服务与反馈

► 把本文推荐给朋友

► 加入我的书架

► 加入引用管理器

► 引用本文

► Email Alert

► 文章反馈

► 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

► 重复序列PCR(rep-PCR)

► 病原真菌

► 基因分型

本文作者相关文章

► 项明洁

► 刘锦燕

► 倪培华

► 张华

► 陈华

► 倪语星

PubMed

► Article by

- [3] Goodwin TJ,Poulter RT.The CARE-2 and rel-2 repetitive elements of *Candida albicans* contain LTR fragments of a new retrotransposon[J].Gene,1998,218(1-2):85-93.
- [4] Gupta N,Haque A,Lattif AA,et al.Epidemiology and molecular typing of *Candida* isolates from burn patients[J].Mycopathologia,2004,158(4):397-405.
- [5] Wise MG,Healy M,Reece K,et al.Species identification and strain differentiation of clinical *Candida* isolates using the DiversiLab system of automated repetitive sequence-based PCR[J].J Med Microbiol,2007,56(Pt 6):778-787.
- [6] Heinemann S,Symoens F,Gordts B,et al.Environmental investigations and molecular typing of *Aspergillus flavus* during an outbreak of postoperative infections[J].J Hosp Infect,2004,57(2):149-155.
- [7] Healy M,Reece K,Walton D,et al.Identification to the species level and differentiation between strains of *Aspergillus* clinical isolates by automated repetitive-sequence-based PCR[J].J Clin Microbiol,2004,42(9):4016-4024.
- [8] Hanson D,Healy M,Reece K,et al.Repetitive-sequence-based PCR using the DiversiLab system for identification of *Aspergillus* species[J].J Clin Microbiol,2008,46(5):1835-1839.
- [9] Pounder JI,Williams S,Hanson D,et al.Repetitive-sequencePCR-based DNA fingerprinting using the DiversiLab system for identification of commonly encountered dermatophytes[J].J Clin Microbiol,2005,43(5):2141-2147.
- [10] Godoy P,Cano J,Gen? J,et al.Genotyping of 44 isolates of *Fusarium solani*,the main agent of fungal keratitis in Brazil[J].J Clin Microbiol,2004,42(10):4494-4497.
- [11] Healy M,Reece K,Walton D,et al.Use of the Diversi Lab System for species and strain differentiation of *Fusarium* species isolates[J].J Clin Microbiol,2005,43(10):5278-5280.
- [12] Pounder JI,Hansen D,Woods GL.Identification of *Histoplasma capsulatum*,*Blastomyces dermatitidis*,and *Coccidioides* species by repetitive-sequence-based PCR[J].J Clin Microbiol,2006,44(8):2977-2982.
- [13] Kontoyiannis DP,Lionakis MS,Lewis RE,et al.Zygomycosis in a tertiary-care cancer center in the era of *Aspergillus*-active antifungal therapy:a case-control observational study of 27 recent cases[J].J Infect Dis,2005,191(8):1350-1360.

本刊中的类似文章

1. 周万青, 沈瀚, 张之烽, 张葵.白念珠菌临床分离调查及基因分型研究[J]. 中国真菌学杂志, 2012, 7(1): 20-23
2. 周真, 杜妍娴, 李希清.黑色素与常见病原真菌致病性的关系[J]. 中国真菌学杂志, 2011, 6(6): 373-376,384

Copyright by 中国真菌学杂志