

云南纳西族HLA-DRB1基因多态性研究及其族源分析

贾宗剑1, 潘德京1, 付永贵1, 陈为民1, 刘泽寰1, 林蒋海1, 朱玉芳3, 陈荣祥4, 符志彦1, 周大明2, 徐安龙1

1.中山大学生命科学学院生物医药中心;广州 510275; 2.中山大学人类学系;广州 510275; 3.云南省丽江地区人民医院检验科;丽江县 674100; 4.云南省澜沧县第一人民医院检验科;澜沧县 665600

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 首次在国内采用本室改进的高分辨率的基于内含子的PCR-SBT分型方法,检测云南纳西族HLA-DRB1基因多态性。在60例纳西族个体中共检出37种HLA-DRB1等位基因,其显著特点是等位基因的类型检出较多,频率分布比较平均,除12021(17.50%)外其他的等位基因频率均低于8%,其他较常见的等位基因(>5%)还有1404(7.50%),1504(5.83%),04051(5.83%),08032(5.83%),09012(5%),03011(5%)。这几种中频等位基因共占可检出等位基因的35%,与12021一起共占52.49%。其中DRB1.0305、0438、1123、1132、1310、0812为首次在我国人群中检出,并且在世界各地人群中也比较罕见。对纳西族和世界各地人群的HLA-DRB1频率进行了聚类分析。比较分析的结果显示纳西族明显属于中国南方族群,未显示出其族源来自北方的痕迹。根据遗传数据,并参照民族学、历史学研究,对其民族起源做了初步的分析。

关键词 [云南](#) [纳西族](#) [PCR-SBT](#) [分型](#) [HLA-DRB1](#) [多态性](#) [起源](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(329KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“云南”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [贾宗剑](#)
- [潘德京](#)
- [付永贵](#)
- [陈为民](#)
- [刘泽寰](#)
- [林蒋海](#)
- [朱玉芳](#)
- [陈荣祥](#)
- [符志彦](#)
- [周大明](#)