

一种适用于线粒体基因表达分析的cDNA-RAPD方法 A RAPD Method Acceptable for the Analysis of Mitochondrial Gene Expression

易平, 万翠香, 汪莉, 朱英国 YI Ping, WAN Cui-xiang, WANG Li, ZHU Ying-guo

武汉大学植物发育生物学教育部重点实验室, 武汉大学生命科学学院遗传研究所, 武汉 430072
The Key Laboratory of MOE for Plant Developmental Biology and Institute of Genetics, College of Life Sciences, Wuhan University, Wuhan 430072, China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 由于植物线粒体DNA分子结构复杂, 并在与细胞核共进化的过程中形成了自己独特的表达系统, 迄今仍没有一种较好的能够对植物线粒体基因表达进行分析的方法。本文依据线粒体RNA的自身特点, 对已用于分析真核mRNA的差展方法进行了改进。采用随机六聚体引物取代oligo(dT)n, 从而将线粒体RNA及其他各类无poly(A)尾的mRNA纳入到可直接研究的范围, 发展了一种适用于线粒体基因表达分析的方法。

Abstract: Several techniques are available in detecting variations in gene expression between different samples, such as SSH, RACE etc. However, they can not be applied to analyze mitochondrial gene expression due to the specific characteristics of mitochondrial RNA. So some modifications were made to the conventional techniques. Here we reported a demonstration of this modified technique, taking rice mitochondria as materials. In this technique, using random hexamers to prime the RT, the resultant cDNA likely included coding regions because it was not locked to the poly(A) tail of the messenger RNA.

关键词 [线粒体](#) [RAPD](#) [随机六聚体](#) **Key words** [mitochondria](#) [RAPD](#) [random hexamers](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“线粒体”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [易平](#)
- [万翠香](#)
- [汪莉](#)
- [朱英国YI Ping](#)
- [WAN Cui-xiang](#)
- [WANG Li](#)
- [ZHU Ying-guo](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者