

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

## : 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 暗纹东方鲀线粒体 *CO II* 及两侧 tRNA 基因的克隆和序列分析

作者: 邵爱华, 朱 江, 陈 葵, 史全良, 李新平, 沈颂东

苏州大学生命科学学院 苏州 215123; 苏州科技学院生物学系 苏州 215009

摘要: 用细胞色素氧化酶第二亚基基因 (*CO II*) 特异性引物对暗纹东方鲀 (*Taki fugu fasciatus*) 的线粒体 DNA (*mtDNA*) 进行 PCR 扩增, 克隆并测定了 *CO II* 及其侧翼 tRNA 基因的全序列, 结果显示, *CO II* 基因 691 bp 和 5' 端上游的 tRNA<sup>Asn</sup> 基因及 3' 端下游的 tRNA<sup>Lys</sup> 基因序列共 890 bp。用 DNA 分析软件比较暗纹东方鲀与 GenBank 中 9 个目 11 种鱼类的 *CO II* 序列, 显示暗纹东方鲀与这些鱼类的 *CO II* 基因具有较高的同源性; 其中与同属红鳍东方鲀 (*T. rubripes*) 的同源性最高为 99.0%。暗纹东方鲀 *CO II* 基因的核苷酸组成中, A+T 含量为 56%, 与其他 11 种鱼类的 A+T 含量 (55%~62%) 相近。鱼类 *CO II* 序列组成对 A+T 核苷酸的偏倚程度比较低。根据暗纹东方鲀与其他 11 种鱼的 *CO II* 基因序列同源性所建立的分子进化树, 与传统的分类地位基本吻合。推定的 tRNA 二级结构为典型的三叶草型结构。

关键词: 暗纹东方鲀; 线粒体 DNA; 细胞色素氧化酶第二亚基; 系统学

这篇文章摘要已经被浏览 22 次, 全文被下载 8 次。

[下载PDF文件 \(390079 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>