

研究简报

## 用改良TAIL-PCR技术分析转基因烟草cbf1基因插入区的侧翼序列

宋达峰, 韩凝, 边红武, 朱睦元

浙江大学生命科学学院, 浙江杭州 310028

收稿日期 2004-9-21 修回日期 2005-1-18 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 1995年由LIU[1~3]等首创并发展了热不对称交错PCR (TAIL-PCR, Thermal Asymmetric Interlace PCR) 方法, 对拟南芥中T-DNA整合位点的侧翼序列进行了扩增。这种方法利用3个特异的巢式引物和1个较短的随机简并引物引发PCR扩增。它用一系列特异性的巢式引物除去由特异引物单独延伸所产生的非特异性产物。又由于特异性引物和随机引物的退火温度有明显的差别, 所以用特殊的热循环程序使PCR反应有利于特异性产物的扩增, 而抑制由随机引物产生的非特异性产物。

关键词

分类号

## Analysis of cbf1 Flanking Sequences in Transgenic Tobacco by TAIL-PCR

SONG Da-Feng, HAN Ning, BIAN Hong-Wu, ZHU Mu-Yuan

Zhejiang University Life Science College, Hangzhou 310028, Zhejiang, China

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者 朱睦元 [myzhu@zju.edu.cn](mailto:myzhu@zju.edu.cn)

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(3754KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 无 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [宋达峰](#)

· [韩凝](#)

· [边红武](#)

· [朱睦元](#)