

研究论文Articles

中华大蟾蜍 *Mest* 基因的cDNA克隆和表达分析(英文)

王晶晶, 聂刘旺*, 贾瑞, 汪宁

安徽师范大学 生命科学学院, 安徽重要生物资源保护与利用研究重点实验室, 安徽 芜湖 241000

收稿日期 2009-2-24 修回日期 网络版发布日期 2009-8-20 接受日期 2009-5-27

摘要 *Mest*基因是一种印记基因, 在人、小鼠以及其他的哺乳动物和有花植物中都有研究报道。为了更好地研究该基因的功能和进化特点, 利用RACE法获得了中华大蟾蜍*Mest*基因(Bg*Mest*)的cDNA全长序列(1 325 bp), 它包含一个完整的ORF, 可编码326个氨基酸的多肽(GenBank登陆号: ABQ10905)。多肽链中包含一个典型的 α/β 水解酶折叠结构域, 其在氨基酸水平上与热带爪蟾和一些哺乳动物分别存在86%和70%~80%的相似性。进化树分析显示*Mest*基因为单系起源。RT-PCR显示, Bg*Mest*基因在精巢、卵巢、肝、肾、脑、胃和肺中都有表达, 并且该基因在序列、表达模式以及蛋白产物的高级结构的高度保守性都说明它在两栖类生物中是保守的。但是在对哺乳动物以及一些脊椎动物的印记基因进行进化分析时, 发现它们具有不同的起源。

关键词 [中华大蟾蜍](#); [Mest基因](#); [印记基因](#); [RACE](#); [RT-PCR](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1141.2009.04369

通讯作者:

聂刘旺 lwnie@mail.ahnu.edu.cn

作者个人主页: 王晶晶; 聂刘旺*; 贾瑞; 汪宁

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(1472KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“中华大蟾蜍; *Mest* 基因; 印记基因; RACE; RT-PCR”的 相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [王晶晶](#)

· [聂刘旺](#)

· [贾瑞](#)

· [汪宁](#)